

INFORMAZIONI PERSONALI

Arianna Battisti

POSIZIONE RICOPERTA

Assistente di ricerca Post-Doc presso il Centro di Immunobiologia, Blizard Institute, Queen Mary University of London, Londra (Regno Unito)

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

06/06/2018 – 05/06/2020

Assistente di ricerca Post-Doc,

Centre of Immunobiology, Blizard Institute, Queen Mary University of London, Mile End Road, London, E1 4NS (United Kingdom)

- Stoccaggio e/o preparazione a future analisi molecolari e immunologiche dei campioni biotipici epatici (biopsia epatica liquida e solida), plasma, siero, sangue intero, cellule mononucleate di sangue periferico (PBMCs), prelevati presso l'unità di epatologia del Royal London Hospital di Londra. La procedura di stoccaggio/preparazione dei suddetti campioni biologici, viene eseguita in laboratorio di biosicurezza 3.

- Estrazione di acidi nucleici virali (DNA e RNA) utilizzando kit commerciali ad alta resa, da tessuto fresco/congelato/FFPE, plasma, siero, sangue intero, cellule.

- Controllo qualità (QC) per DNA e RNA estratti al fine di sequenziamento di Sanger e NGS, con l'utilizzo dello spettrofotometro Nanodrop, fluorimetro Qubit e Bioanalyzer.

- Isolamento delle cellule mononucleate del sangue periferico (PBMCs) mediante Ficoll e successivo stoccaggio delle cellule per future analisi immunologiche;

- Quantificazione dei marcatori intraepatici e sierologici classici del virus dell'epatite B (HBV-DNA, HBsAg, cccDNA, HBV-DNA intra-epatico) ed emergenti (HBV-RNA, HBcrAg, HBeAg, HBV-RNA pregenomico) in campioni di biopsia liquida (fine needle aspirate) e solida (core needle biopsy) tramite le tecnologie:

RT-PCR;
Digital droplet PCR (BIO-RAD);
Lumipulse G1200 (FUJIREBIO);
Cobas AmpliPrep (Roche);
Liaison XL (DIASORIN).

- Pianificazione e gestione del progetto di sequenziamento del trascrittoma (RNA-seq) tramite la piattaforma Illumina HI-Seq di pazienti con epatite B cronica, biotipizzati presso il reparto di epatologia dell'ospedale Royal London Hospital.

- Disegno, messa a punto e validazione della procedura home-made di sequenziamento del genoma virale del virus dell'epatite Delta (HDV) con sequenziamento di Sanger; RT-PCR per la quantificazione dell'HDV-RNA.

- Coordinamento della collaborazione con altri gruppi di ricerca europei (CRCL-INSERM di Lione e Laboratorio di Virologia molecolare dell'Università di Roma Tor Vergata) companies coinvolte nell'attività di ricerca.

- Collaborazione come revisore di lavori scientifici con la rivista Journal of Viral Hepatitis (JVH)- Wiley Online Library.

- Attività di mentoring per studenti tirocinanti della Bart's and the London School of Medicine and Dentistry, facoltà di medicina della Queen Mary University.

01/11/2014–24/04/2018 **Dottorato di ricerca in Microbiologia, Immunologia, Malattie Infettive, Trapianti d'organo e patologie connesse, XXX ciclo**

Università degli studi di Roma Tor Vergata, Dipartimento di Medicina Sperimentale e Chirurgia, Via Montpellier, 1 00133, Roma (Italia)

- Disegno, messa a punto e validazione di saggi home-made per il sequenziamento di proteine virali di HBV con sequenziamento di Sanger utilizzando lo strumento ABI3130XL (Applied Biosystem);
- Disegno sperimentale ed interpretazione dei seguenti saggi di Biologia Molecolare: PCR, RT-PCR, Real Time PCR, Digital PCR (QX200 Droplet Digital PCR).
- Estrazione manuale DNA/RNA/proteine utilizzando kit commerciali ad alta resa; successiva analisi della concentrazione e del grado di purezza di campioni di DNA/RNA e proteine con l'utilizzo di spettrofotometro Nanodrop e del fluorimetro Qubit.
- Analisi della concentrazione dei marcatori sierologici classici del virus HBV (HBV-DNA, HBsAg) tramite analizzatore automatico Lumipulse G1200 (Fujirebio) e COBAS AmpliPrep (Roche).
- Analisi dei marcatori intraepatici di epatite B (cccDNA, pgRNA, HBV-DNA intraepatico) tramite RT-PCR e digital-droplet PCR.
- Applicazione di programmi per l'analisi dei dati statistici (SPSS, R) e delle sequenze nucleotidiche e proteiche (SeqScape, Bioedit, Los Alamos DB), per l'analisi mutazionale e filogenetica (Mega5) del genoma virale.
- Gestione di Database in Access con informazioni cliniche, diagnostiche e di sequenza di pazienti con infezione cronica da HBV, HCV, HIV. Inserimento dei dati ed interrogazione con opportune query.
- Collaborazione con Dirigenti Biologi nella redazione di referti di genotipizzazione virale per i virus: HBV, HCV, HIV.
- Pianificazione e gestione dei consumabili di laboratorio, plastiche, reagenti, necessari all'esecuzione di test e analisi.
- Attività di mentoring per studenti laureandi e dottorandi;
- Supervisione dello staff junior e personale tecnico.

24/03/2014–01/11/2014 **Tirocinante volontaria post-laurea a tempo pieno**

Università degli studi di Roma Tor Vergata, Dipartimento di Medicina Sperimentale e Chirurgia, Via Montpellier, 1 00133, Roma (Italia)

- 01/11/2012–24/03/2014 **Tesista tirocinante a tempo pieno**
Università degli studi di Roma Tor Vergata, Dipartimento di Medicina Sperimentale e Chirurgia, Via Montpellier, 1 00133, Roma (Italia)
- Acquisizione della metodica di estrazione manuale di DNA virale con kit QIAGEN.
 - Acquisizione della tecnica di genotipizzazione virale tramite metodica Sanger:
 - saggi PCR (e NESTED PCR) per l'amplificazione delle proteine virali del virus dell'epatite B;
 - valutazione qualitativa degli amplificati tramite GEL elettroforetico;
 - preparazione della reazione di sequenza con l'utilizzo del reagente BigDye terminator;
 - purificazione tramite gel Sephadex;
 - uso dello strumento ABI3130 XL (Applied Biosystem)
 - analisi dell'elettroferogramma tramite programma SeqScape di Applied Biosystem.
 - Applicazione di programmi per l'analisi dei dati statistici (SPSS) e delle sequenze nucleotidiche e proteiche (SeqScape, Bioedit, Los Alamos DB), per l'analisi mutazionale e filogenetica (Mega5) dei genomi virali.
 - Acquisizione dei principi di sequenziamento tramite metodica di Next Generation Sequencing: Ultra Deep Pyro Sequencing (UDPS, usando il sistema ROCHE 454 junior) per lo studio e la caratterizzazione delle quasispecie virali minoritarie in campioni di pazienti con epatite B acuta.
- 01/10/2012–01/11/2012 **Tirocinio obbligatorio di 75 ore previste dal piano di studi del corso di Laurea Magistrale in Biologia della salute e nutrizione**
Ospedale Generale San Camillo de Lellis, Viale Kennedy 1, Rieti (Italy)
- Procedure di stoccaggio e conservazione dei campioni biologici per le analisi microbiologiche e chimico-analitiche.
 - Elettroforesi proteica (protidogramma) da campioni di siero, urine e altri liquidi biologici.
 - Esame colturale e microscopico di tamponi vaginali provenienti dall'attività di diagnostica ospedaliera.
 - Esame colturale delle urine.
 - Antibiogramma automatico tramite sistema VITEK 2 (BioMérieux).
- 01/11/2014–24/04/2018 **Dottorato di ricerca (PhD) in Microbiologia, Immunologia, Malattie Infettive, Trapianti d'organo e patologie connesse, XXX ciclo** 8 EQF
Università degli studi di Roma Tor Vergata, Dipartimento di Medicina Sperimentale e Chirurgia, Via Montpellier, 1 00133, Roma (Italia)

04/08/2014 **ESAME DI STATO, I sessione 2014 - Abilitazione alla professione di Biologo**

Università degli studi dell'Aquila, L'Aquila (Italia)

ISCRIZIONE ORDINE NAZIONALE DEI BIOLOGI SEZ.A, n.ro: AA_084945

03/2011–21/03/2014 **Laurea Magistrale in Biologia della salute e della nutrizione (LM-6)** 7 EQF
Voto: 110/110 e lode con encomio da parte della commissione

Università degli studi dell'Aquila, Department of Life, Health and Environmental Sciences, Piazzale Salvatore Tommasi 1, 67100 Coppito (AQ)

10/2006–21/12/2010 **Laurea in Scienze Biologiche (L-13) Voto: 110/110 e lode** 6 EQF

Università degli studi dell'Aquila, Department of Life, Health and Environmental Sciences, Piazzale Salvatore Tommasi 1, 67100 Coppito (AQ)

09/2001–06/2006 **Diploma di liceo scientifico Voto 90/100** 4 EQF

Liceo Scientifico Statale Carlo Jucci, Rieti (Italia), Piazza San Francesco, 02100 Rieti (RI), Italy

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiano

COMPRESIONE		PARLATO		SCRITTO
Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
C1	C1	C1	C1	C1

Livelli: A1 e A2: Utente base - B1 e B2: Utente autonomo - C1 e C2: Utente avanzato
Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue

Competenze comunicative Madrelingua italiana con ottima conoscenza dell'inglese scritto e parlato.
Eccellenti competenze comunicative e relazionali.
Propensione all'ascolto, apertura al confronto.
Forte spirito di adattamento in contesti multiculturali e multilingua.

Riassunto delle principali competenze professionali

Estesa competenza nella manipolazione dei tessuti umani (campioni biotici liquidi e solidi, sangue, siero, plasma, cellule) dallo stoccaggio alla preparazione per future analisi molecolari, immunologiche (e altro);

Estesa esperienza nell'estrazione di acidi nucleici (DNA/RNA) con kit commerciali ad alta resa da campione fresco/congelato/FFPE, successivo controllo qualità della purezza degli acidi nucleici estratti;

Saggi di biologia molecolare: PCR, RT-PCR, digital droplet-PCR (DDPCR);

Quantificazione dei marcatori sierologici virali mediante macchinari automatizzati;

Sequenziamento di Sanger e Next Generation Sequencing (NGS);

Isolamento delle cellule mononucleate del sangue periferico (PBMCs) mediante Ficoll;

Estesa esperienza nell'utilizzo di programmi per l'elaborazione statistica dei dati (GraphPad, SPSS);

Estesa esperienza nell'utilizzo del pacchetto Office (word, excel, power point, access).

Competenze digitali

AUTOVALUTAZIONE				
Elaborazione delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi
Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato	Utente avanzato
ECDL (European Computer Driving Licence) Full conseguita nel 2003				

Patente di guida

B

ULTERIORI INFORMAZIONI

Corsi formativi professionali e workshop

- Management della riattivazione dell'infezione nel paziente immunosoppresso: definizione dei migliori approcci diagnostico-terapeutici, tenutosi a Roma, l'8 Luglio 2015.
- Workshop ViroClub la virologia incontra la clinica, svoltosi a Roma il 17 Settembre 2015.
- Milestones in hepatitis, svoltosi a Firenze il 3-4 Dicembre 2015.
- Riattivazione di HBV nel paziente non immunocompetente, svoltosi il 16 Dicembre 2015.
- Workshop ViroClub la virologia incontra la clinica, svoltosi a Monte Porzio Catone (RM) il 14 Settembre 2016.
- ARCA MENTOR SCHOOL, svoltosi a Siena il 6-7 Ottobre 2016.
- BASL SIG Meeting (British Association for the study of the liver, Londra, 28 Giugno 2018);
- BASL SIG Meeting (British Association for the study of the liver, Londra, 11 Luglio 2019).

1. Salpini R, Battisti A, Piermatteo L, et al. Key mutations in the C-terminus of the HBV surface glycoprotein correlate with lower HBsAg levels in vivo, hinder HBsAg secretion in vitro and reduce HBsAg structural stability in the setting of HBeAg-negative chronic HBV genotype-D infection [published online ahead of print, 2020 Apr 20]. *Emerg Microbes Infect.* 2020;1–45.
2. Salpini R, Piermatteo L, Battisti A, Colagrossi L, Aragri M, Yu La Rosa K, Bertoli A, Saccomandi P, Lichtner M, Marignani M, Maylin S, Delaugerre C, Morisco F, Coppola N, Marrone A, Iapadre N, Cerva C, Aquaro S, Angelico M, Sarmati L, Andreoni M, Verheyen J, Ceccherini-Silberstein F, Levvero M, Perno CF, Belloni L, Svicher V. A Hyper-Glycosylation of HBV Surface Antigen Correlates with HBsAg-Negativity at Immunosuppression-Driven HBV Reactivation in Vivo and Hinders HBsAg Recognition in Vitro. *Viruses.* 2020 Feb 23;12(2).
3. Gill US, Battisti A, Kennedy PTF. Emerging tools in the changing landscape of chronic hepatitis B management. *Expert Rev Anti Infect Ther.* 2019 Dec;17(12):943-955.
4. Salpini R*, Battisti A*, Colagrossi L, Di Carlo D, Fabeni L, Piermatteo L, Cerva C, Lichtner M, Mastroianni C, Marignani M, Maylin S, Delaugerre C, Morisco F, Coppola N, Marrone A, Angelico M, Sarmati L, Andreoni M, Perno CF, Ceccherini-Silberstein F, Svicher V. A snapshot of virological presentation and outcome of immunosuppression-driven HBV reactivation from real clinical practice: Evidence of a relevant risk of death and evolution from silent to chronic infection. *J Viral Hepat.* 2019 Apr 11. *The authors equally contributed to the manuscript.
5. Bavaro DF, Di Carlo D, Zuccalà P, Bai F, Incardona F, Battisti A, Giachè S, Salomoni E, Gagliardini R, Di Giambenedetto S, Pecorari M, Zazzi M, De Luca A, Bezenchek A, Lo Caputo S. Letter to the editor: switching treatment to lamivudine plus boosted atazanavir or darunavir in virologically suppressed HIV-infected patients - evidence from a large observational cohort. *Infect Dis (Lond).* 2019. Jan 21:1-6.
6. Colagrossi L, Salpini R, Scutari R, Carioti L, Battisti A, Piermatteo L, Bertoli A, Fabeni L, Minichini C, Trimoulet P, Fleury H, Nebuloso E, De Cristofaro M, Cappiello G, Spanò A, Malagnino V, Mari T, Barlattani A, Iapadre N, Lichtner M, Mastroianni C, Lenci I, Pasquazzi C, De Sanctis GM, Galeota Lanza A, Stanzione M, Stornaiuolo G, Marignani M, Sarmati L, Andreoni M, Angelico M, Ceccherini-Silberstein F, Perno CF, Coppola N, Svicher V. HDV Can Constrain HBV Genetic Evolution in HBsAg: Implications for the Identification of Innovative. *Pharmacological Targets.* *Viruses.* 2018 Jul 9;10(7).
7. Malagnino V, Salpini R, Maffongelli G, Battisti A, Fabeni L, Piermatteo L, Colagrossi L, Fini V, Ricciardi A, Sarrecchia C, Perno CF, Andreoni M, Svicher V, Sarmati L. High rates of chronic HBV genotype E infection in a group of migrants in Italy from West Africa: Virological characteristics associated with poor immune clearance. *PLoS One.* 2018 Mar 29;13(3).
8. Cerva C, Maffongelli G, Svicher V, Salpini R, Colagrossi L, Battisti A, Mariotti B, Cerretti R, Cudillo L, Sarmati L. Hepatitis B reactivation characterized by HBsAg negativity and anti-HbsAg antibodies persistence in haematopoietic stem cell transplanted patient after lamivudine withdrawal. *BMC Infect Dis.* 2017 Aug 15;17(1):566.
9. Salpini R, Piermatteo L, Gill U, Battisti A, Stazi F, Guenci T, Giannella S, Serafini V, Kennedy PTF, Perno CF, Svicher V, Ciotti M. Quantification of intrahepatic total HBV DNA in liver biopsies of HBV-infected patients by a modified version of COBAS(®)
10. Aragri M, Alteri C, Battisti A, Di Carlo D, Minichini C, Sagnelli C, Bellocchi MC, Pisaturo MA, Starace M, Armenia D, Carioti L, Pollicita M, Salpini R, Sagnelli E, Perno CF, Coppola N, Svicher V. Multiple Hepatitis B Virus (HBV) Quasispecies and Immune-Escape Mutations Are Present in HBV Surface Antigen and Reverse Transcriptase of Patients With Acute Hepatitis B. *J Infect Dis.* 2016 Jun 15;213(12):1897-905.
11. Cerva C, Colagrossi L, Maffongelli G, Salpini R, Di Carlo D, Malagnino V, Battisti A, Ricciardi A, Pollicita M, Bianchi A, Picardi A, Cudillo L, Cerretti R, De Angelis G, Cantonetti M, Andreoni M, Perno CF, Arcese W, Svicher V, Sarmati L. Persistent risk of HBV reactivation despite extensive lamivudine prophylaxis in haematopoietic stem cell transplant recipients who are anti-HBc-positive or HBV-negative recipients with an anti-HBc-positive donor. Accepted on *Clinical Microbiology and Infection.*
12. Pollicita M, Alteri C, Bellocchi MC, Armenia D, Carioti L, Salpini R, Colagrossi L, Battisti A, Aragri M, Fabeni L, Mariani R, Dalessandro M, Ranelli A, Paoloni M, Parruti G, Perno CF, Svicher V. A recent epidemiological cluster of acute hepatitis B genotype F1b infection in a restricted geographical area of Italy. *Clin Microbiol Infect.* 2015 Dec;21(12): 1124.e1-4.
13. R. Salpini, A. Battisti, L. Carioti, D. Di Carlo, O. Anastasiou, U.S. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L. Sarmati, M. Andreoni, M. Angelico, S. Grelli, P.T.F. Kennedy, J. Verheyen, C.-F. Perno, V. Svicher. Key mutational patterns in HBsAg C-terminus profoundly affect HBsAg levels in HBeAg-negative chronic HBV genotype D infection. *Journal of Hepatology*, volume 68, supplement 1, S492-S493, Jan 2018.
14. R. Salpini, A. Battisti, O. Anastasiou, U. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L. Sarmati, M. Andreoni, M. Angelico, S. Grelli, P. Kennedy, J. Verheyen, C.-F. Perno, V. Svicher. In HBeAg-negative chronic HBV infection, HBsAg levels profoundly vary among different HBV-genotypes and can be influenced by the degree of HBsAg variability: can quantitative HBsAg truly reflect intra-hepatic HBV reservoir? *Journal of Hepatology*, volume 66, issue 1, supplement, S470, Jan 2017.
15. R. Salpini, A. Battisti, O. Anastasiou, U. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L.

1. G. Brancaccio, A. Battisti, R. Salpini, L. Colagrossi, V. Fini, M. Cantone, L. Piermatteo, Y. Oda, C.F. Perno, G.B. Gaeta, V. Svicher. In patients with HBV-driven liver cancer, the levels of middle surface HBV antigen increase despite prolonged virological suppression: implications for a novel marker of HBV-driven hepatocarcinogenesis. Accettato come presentazione orale al 10° Italian Conference on AIDS and antiviral research-ICAR 2018. 22-24 Maggio 2018. Roma, Italia.
2. R. Salpini, A. Battisti, L. Carioti, D. Di Carlo, O. Anastasiou, U.S. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L. Sarmati, M. Andreoni, M. Angelico, S. Grelli, P.T.F. Kennedy, J. Verheyen, C.-F. Perno, V. Svicher. Key mutational patterns in HBsAg C-terminus profoundly affect HBsAg levels in HBeAg-negative chronic HBV genotype D infection. Accettato come poster al 53° EASL, European Association for the study of the liver 11-15 Aprile 2018. Parigi, Francia.
3. R. Salpini, A. Battisti, L. Colagrossi, D. Di Carlo, L. Fabeni, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, M. Marignani, S. Maylin, C. Delaugerre, F. Morisco, N. Coppola, A. Marrone, M. Angelico, L. Sarmati, M. Andreoni, C.-F. Perno, V. Svicher. Immunosuppression-driven HBV Reactivation Correlates with a Relevant Risk of Death and with Evolution Towards Active Chronic Infection. Accettato come presentazione orale al 20° Annual Meeting of the ESCV-European Society for Clinical Virology. 13-16 Settembre 2017. Stresa, Italia.
4. R. Salpini, A. Battisti, L. Carioti, D. Di Carlo, O. Anastasiou, U.S. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L. Sarmati, M. Andreoni, M. Angelico, S. Grelli, P.T.F. Kennedy, J. Verheyen, C.-F. Perno, V. Svicher. The degree of genetic variability in HBsAg C-terminus profoundly influence HBsAg levels in HBeAg - negative chronic HBV genotype D infection. Accettato come presentazione orale al Congresso Nazionale SIV-ISV. 25-28 Giugno 2017. Milano, Italia.
5. R. Salpini, A. Battisti, L. Carioti, D. Di Carlo, O. Anastasiou, U. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L. Sarmati, M. Andreoni, M. Angelico, S. Grelli, P. Kennedy, J. Verheyen, C.-F. Perno, V. Svicher. The degree of genetic variability in HBsAg C-terminus profoundly influence HBsAg levels in HBeAg-negative chronic HBV genotype D infection. Accettato come presentazione orale all' 8° Italian Conference on AIDS and antiviral research-ICAR 2017. 12-14 Giugno 2017. Siena, Italia.
6. R. Salpini, A. Battisti, L. Carioti, D. Di Carlo, O. Anastasiou, U. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L. Sarmati, M. Andreoni, M. Angelico, S. Grelli, P. Kennedy, J. Verheyen, C.-F. Perno, V. Svicher. The extent of genetic variability in HBsAg C-terminus profoundly affects HBsAg levels in eAg-negative chronic HBV genotype D infection. Accettato come presentazione orale al 15° European Meeting on HIV & Hepatitis - Treatment Strategies & Antiviral Drug Resistance. 7-9 Giugno 2017. Roma, Italia.
7. R. Salpini, A. Battisti, O. Anastasiou, U. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L. Sarmati, M. Andreoni, M. Angelico, S. Grelli, P. Kennedy, J. Verheyen, C.-F. Perno, V. Svicher. In HBeAg-negative chronic HBV infection, HBsAg levels profoundly vary among different HBV-genotypes and can be influenced by the degree of HBsAg variability: can quantitative HBsAg truly reflect intra-hepatic HBV reservoir? Accettato come presentazione poster (POSTER TOUR) al 52° EASL, European Association for the study of the liver, 19-23 Aprile 2017. Amsterdam, Olanda.
8. R. Salpini, A. Battisti, O. Anastasiou, U. Gill, L. Colagrossi, A. Bertoli, L. Fabeni, V. Fini, L. Piermatteo, A. Iuvara, V. Malagnino, C. Cerva, M. Lichtner, C. Mastroianni, G. De Sanctis, M. Paoloni, M. Marignani, C. Pasquazzi, N. Iapadre, T. Mari, G. Parruti, I. Vecchiet, L. Sarmati, M. Andreoni, M. Angelico, S. Grelli, P. Kennedy, J. Verheyen, C.-F. Perno, V. Svicher. In HBeAg-negative chronic HBV infection, HBsAg levels profoundly differ among HBV-genotypes and can be affected by the extent of HBsAg variability: can quantitative HBsAg truly reflect intra-hepatic HBV reservoir? Accettato come presentazione poster al congresso AISF (Associazione italiana per lo studio del fegato) 2017. 23-24 Febbraio 2017. Roma, Italia.

